



: ::

Name	Start	Stop	Sequence	1	E E	Study	plate label	Prov	Phil	Gambia	combined
14-1	_	8.	MLGNAPSVVPNTTLGMHC (SEQ ID NO:1)	18	14	Brian	14-1	%6	%01		%01
14-2	61	38	GSFGSAPSNGWLKLGLVEFG (SEQ ID NO:2)	50	14	Brian	14-2	14%	%81		17%
14-3	30	49	LKLGLVEFGGVAKLNAEVMS (SEQ ID NO:3)	20	16	Brian	14-3	%81	13%		15%
14-4	56	89	QAVMLGTGTPNRA (SEQ ID NO:4)	13	3	Brian	14-4	2%	13%		10%
14-5	74	93	CEVWSNVSETISGPRLYGEM (SEQ ID NO:5)	20	01	Brian	14-5	%6	13%		12%
14-6	08	66	VSETISGPRLYGEMTMQGTR (SEQ ID NO:6)	20	8	Brian	14-6	%5	%5		%5
16-1	=	30	RSLFPEFSELFAAFPSFAGL (SEO ID NO:7)	20	12	Brian	1-91	%6	15%		13%
16-2	11	36	FSELFAAFPSFAGLRPTFDT (SEO ID NO:8)	20	12	Brian	16-2	%5	15%		11%
16-3	54	99	AELPGVDPDKDVD (SEQ ID NO:9)	13	2	Brian	16-3	%5	3%		4%
16-4	74	84	ERTE	11	-	Brian	16-4	23%	%0		%8
16-5	92	107	FAYGSFVRTVSLPVGA (SEQ ID NO:11)	91	10	Brian	9-91	32%	18%		13%
16-6	119	135	GILTVSVAVSEGKPTEK (SEQ ID NO:12)	17	6	Brian	9-91	%5	10%		%8
1-61	7	25	VAVAGAAILVAGLSGCSSN (SEQ ID NO:13)	61	23	Brian	1-61	36%	23%		28%
19-2	85	74	QNVTGSVVCTTAAGNVN (SEQ ID NO:14)	17	01	Brian	19-2	18%	%8		12%
19-3	75	94	IAIGGAATGIAAVLTDGNPP (SEQ ID NO:15)	20	61	Brian	19-3	14%	15%		15%
19-4	107	117	VTLGYTSGTGQ (SEQ ID NO:16)	Ξ	3	Brian	194	14%	10%		11%
19-5	127	139	SHYKITGTATGVD (SEQ ID NO:17)	13	5	Brian	19-5	14%	%8		%01
32-1	9	50	LPVEYLQVPSPSMGR (SEQ ID NO:18)	2	6	Brian	32-1	%6	%01 		10%
32-10	252	264	GVFDFPDSGTHSW (SEQ ID NO:27)	13	5	Brian	32-10	· %6	15%		13%
32-11	265	276	EYWGAQLNAMKP (SEQ ID NO:28)	12	4	Brian	32-11	%\$	15%		11%
32-2	35	47	ALYLLDGLRAQDD (SEQ ID	13	4	Brian	32-2	%6	%8		8%

_	· · · · ·		r	1					·						· · · · · ·				,		Τ		
	18%	%9	17%	21%	23%	15%	13%	35%	24%	15%	12%	19%	28%	17%	22%	24%	28%	26%	21%	31%	22%	21%	21%
								24%	28%	21%	14%	17%	31%	21%	21%	28%	24%	28%	21%	31%	28%	24%	24%
	23%	%5	%8	%81	21%	23%	13%																
	%6	. %6	32%	27%	27%	%0	14%	62%	15%	%0	%8	23%	15%	%8 .	23%	15%	38%	23%	%0	31%	%8	15%	15%
	32-3	32-4	32-5	32-6	32-7	32-8	32-9	32G-01	32G-02	32G-03	32G-04	. 32G-06	32U-03	32U-04	32U-06	38G-01	38G-06	38G-07	38G-09	38G-11	38G-14	38G-17	38G-18
	Brian	Brian	Brian	Brian	Brian	Brian	Brian	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista
	4	9	01	61	13	13	2	2	4	91	9	9	3	∞	6	23	91	4	3	3	∞	3	3
	16	12	. 20	20	20	81	91	13	13	. 81	20	13	13	17	61	21	21	61	13	13	12	61	20
NO:19)	SVVMPVGGQSSFYSDW (SEQ ID NO:20)	TFLTSELPGWLQ (SEQ ID NO21)	RHVKPTGSAVVGLSMAASSA (SEQ ID NO:22)	VGLSMAASSALTLAIYHPQQ (SEQ ID NO:23)	LAIYHPQQFVYAGAMSGLLD (SEQ ID NO:24)	Z	KFLEGFVRTSNIKFQD (SEQ ID NO:26)	PSMGRDIK VQFQS (SEQ ID NO:29)	SGLSVVMPVGGQS (SEQ ID NO:30)	VVGLSMAASSALTLAIYH (SEQ ID NO:31)	AIYHPQQFVYAGAMSGLLDP (SEQ ID NO:32)	KLIANNTRVWVYC (SEQ ID NO:33)	PTGSAVVGLSMAA (SEQ ID NO:34)	QFVYAGAMSGLLDPSQA (SEQ ID NO:35)	PLLNVGKLIANNTRVWVYC (SEQ ID NO:36)	KIRLHTLLAVLTAAPLLLAAA (SEQ ID NO:37)	DMAAHKGLMNIALAISAQQVN (SEQ ID NO:38)	PGVSEHLKLNGKWLAAMYQ(S EQ ID NO:39)	AALNPGVNLPGTA (SEQ ID NO:40)	PGFGTTVDPPAVP (SEQ ID NO:41)		PAPDGYPIINYEYAIVNNR (SEQ ID NO:43)	AITDGNKASFLDQVHFQPLP (SEQ ID NO:44)
	82	011	132	142	154	210	242	28	75	139	155	211	129	158	211	22	133	155	179	223	285	322	358
	67	66	113	123	135	193	227	91	49	122	136	. 661	117	142	193	2	113	137	191	211	274	304	339
	32-3	32-4	32-5	32-6	32-7	32-8	32-9	32G-01	32G-02	32G-03	32G-04	32G-06	32N-03	32U-04	32U-06	38G-01	38G-06	38G-07	38G-09	38G-11	38G-14	38G-17	38G-18

											ı	, ,	 .							I		
17%	34%	31%	28%	32%	30%	11%	31%	28%	19%	28%	21%	19%	14%	46%	34%	25%	25%	42%	32%	18%	%61	35%
24%	17%	22%	22%	28%	17%	22%	17%	28%	17%	28%	24%	14%	%01	%0\$	32%	%21	%21	%9	33%	%9	17%	. 11%
	18%	18%	18%	18%	27%	%0	92%									%6	36%	27%	27%	%6	%0	36%
%0	%09	%0\$	40%	45%	45%	10%	25%	%0	23%	%0	15%	31%	23%	38%	38%	45%	25%	85%	35%	35%	35%	25%
38G-19	38-1	38-3	38-6	38-5	38-2	38-4	38-7	380-01	38U-02	380-05	38U-06	38U-09	38U-14	E6G-01	E6U-01	E6-1	E6-2	Ee-3	1-65	59.5	59-3	59-4
Krista	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Krista	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose
2	23	91	9	02	91	01	6	23	S	01	91	S	17	9	6	10	1	8	21	∞	=	10
13	20	20	20	17	20	20	20	61	13	81	23	14	23	13	20	20	20	91	20	20	16	16
ASFLDQVHFQPLP (SEQ ID NO:45)	IRLHTLLAVLTAAPLLLAAA (SEQ ID NO:46)	NFLLPDAQSIQAAAAGFASK (SEQ ID NO:47)	YAIVNNRQKDAATAQTLQAF (SEQ ID NO:48)	TGSGAGIAQAAAGTVNI (SEQ ID NO:49)	MAAHKĞLMNIALAISAQQVN (SEQ ID NO:50)	LNPGVNLPGTAVVPLHRSDG (SEO ID NO:51)	AETPGCVAYIGISFLDQASQ (SEQ ID NO:52)	IRLHTLLAVLTAAPLLLAAAG (SEQ ID NO:53)	AGAGTVATTPASS (SEQ ID NO:54)	TGSGAGIAQAAAGTVNIG (SEQ ID NO:55)	DMAAHKGLMNIALAISAQQVN YN (SEQ ID NO:56)	PQIAALNPGVNLPG (SEQ ID NO:57)	FLLPDAQSIQAAAAGFASKTPA N (SEQ 1D NO:58)	NFAGIEAAASAIQ (SEQ ID NO:59)	QWNFAGIEAAASAIQGNVTS (SEQ ID NO:60)	NFAGIEAAASAIQGNVTSIH (SEQ ID NO:61)	IQGNVTSIHSLLDEGKQSLT (SEQ ID NO:62)	TELNNALQNLARTISE (SEQ ID NO:63)	LMIGTAAAVVLPGLVGLAGG (SEQ ID NO:64)	EYWGAQLNAMKGDLQSSLGA (SEQ 1D NO:65)	WYYQSGLSIVMPVGGQ (SEQ ID NO:66)	IGLSMAGSSAMILAAY (SEQ ID NO:81)
358	22	291	335	102	133	188	258	23	49	103	135	177.	295	19	24	26	37	78	34	324	115	178
346	3	272	316	98	114	169	239	3	37	98	113	164	273	2	\$	<i>L</i>	18	63	51	305	001	163
38G-19	38KD-1	38KD-10	38KD-11	38KD-4	38KD-5	38KD-7	38KD-9	380-01	380-02	380-05	380-06	38U-09	38U-14	E6G-01	E6U-01	ESAT6- la	ESAT6- 1b	ESAT6- 2	MPT59- 1	MPT59- 10	MPT59- 3	MPT59- 5

The first time for the start start with the start start with the start start start start with the start s

21%	31%	35%	26%	25%	39%	44%		78%	35%	27%	31%	%8\$	28%	39%
%11%	33%	11%	%11	11%	%9	11%		28%	11%	11%	22%	22%	11%	17%
%6	18%	18%	27%	27%	36%	64%		27%	36%	%6	18%	64%	%81	45%
40%	40%	70%	40%	35%	%02	%09		30%	25%	\$5%	%0\$	%58	%05	%55
59-2	63-2	63-3	63-1	64-1	64-3	64-2		1-02	70-2	7-07	70-5	70-3	70-4	9-02
Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose		Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose	Rose
12	10	10	10	23	7	01		56	56	7	01	14	13	=
61	20	20	20	20	20	20		20	20	13	20	20	20	61
QQFIYAGSLSALLDPSQGM (SEQ ID NO:67)	VVLGWKVSDLKSSTAVIPGY (SEQ ID NO:68)	VSDLKSSTAVIPGYPVAGQV (SEQ ID NO:69)	IRGSVTPAVSQFNARTADGI (SEQ ID NO:70)	(SEQ ID NO:71)	YNINISLPSYYPDQKSLENY (SEQ ID NO:72)	AIPPRGTQAVVLKVYQNAAGG (SEQ ID NO:73)		ATSFAAAGLAALAVAVSPPA (SEQ ID NO:74)	SFAAAGLAALAVAVSPPAAA (SEQ ID NO:75)	VNLVDTLNSGQYT (SEQ ID NO:76)	(SEQ ID NO:77)	IDELKTNSSLLTSILTYHVV (SEQ ID NO:78)	LTSILTYHVVAGQTSPANVV (SEQ ID NO:79)	GVSTANATVÝMIDSVLMPP (SEQ ID NO:80)
661	40	46	75	22	69	122		28	30	26	123	133	143	192
181	21	27	26	۳	20	103	-	6	=	85	104	114	124	174
MPT59- 6	MPT63- 1a	MPT63- 1b	MPT63- 2	MPT64-	MPT64- 2a	MPT64- 3		MPT70- Ia	MPT70. 1b	MPT70- 4	MPT70- 5a	MPT70- Sb	MPT70- 5c	MPT70- 6

Brian's peptides in Phil = pop. size of 39 Brian's peptides in Prov = pop size of 22

Rose's peptides in Phil = pop size of 11 Rose's peptides in Prov = pop size of 20 Rose's peptides in Gambia = pop size of 18

Krista's peptides in Gambia 1995 = pop size of 12
Krista's peptides in Gambia 1996 = pop size of 17
Krista's peptides in Providence 1997 = pop size of 13
combined = (%resp pop A x pop size A + %resp pop B x popsize B)/(popsize A + popsize B)
L = length
mm = motif match